

発表番号：3A044

発表日時：3月 29日 14:15～15:15、発表場所：ポスター会場エリア A

大腸菌の1,3-ブタンジオール高生産に向けた代謝改変

Metabolic engineering for enhanced production of 1,3-butanediol in *Escherichia coli*

○片岡 尚也¹、VANGNAI Alisa S.²、薬師 寿治¹、加藤 純一³、和田 大⁴、横田 篤⁴、松下 一信¹(¹山口大農、²チュラロンコン大、³広島大院先端物質、⁴北大院農)

○Naoya KATAOKA¹, Alisa S. VANGNAI², Toshiharu YAKUSHI¹, Junichi KATO³, Masaru WADA⁴, Atsushi YOKOTA⁴, Kazunobu MATSUSHITA¹ (¹Yamaguchi Univ., ²Chulalongkorn Univ., ³Hiroshima Univ., ⁴Hokkaido Univ.)

【目的】1,3-ブタンジオール (1,3-BD) は、産業用ケミカルの原料やβ-ラクタム系抗生物質の重要中間体として広く用いられている炭素数4の光学活性ジオールである。また、合成ゴムの中間体であるブタジエンに容易に化学変換できることから、合成ゴム原料としても注目されている化合物である。我々はこれまでの研究で、*Ralstonia eutropha* の持つポリヒドロキシ酪酸生合成経路と *Clostridium* 属の持つブタノール発酵経路を組み合わせることで 1,3-BD 合成代謝経路を設計し、大腸菌内で構築することで、グルコースから 1,3-BD を生産することに成功している(1, 2)。本研究では、大腸菌での 1,3-BD 生産の更なる効率化に向けた代謝改変を検討したので報告する。

【方法・結果】我々の設計した 1,3-BD 合成代謝経路では、1,3-BD は、アセチル CoA を中間代謝物として 3段階の還元反応（うち 1 反応は NADPH、残りの 2 反応は NAD(P)H を還元力とする）を経ることで生成される。そのため、生産の効率化の戦略として、アセチル CoA 及び還元力供給の強化が有効であると考えられた。PdhR は、ピルビン酸脱水素酵素複合体 (PDHc) をコードする *pdh* オペロンの負の転写制御因子であり、大腸菌の *pdhR* 欠損変異株は、アセチル CoA 及び NADH 供給が増加した表現型を示すことが明らかにされている(3)。そこで、*pdhR* 欠損変異株 ($\Delta pdhR$ 株) を作製し 1,3-BD 生産を評価した。その結果 $\Delta pdhR$ 株での 1,3-BD 収量は、親株と比較して 1.24 倍に增加了。またその時、 $\Delta pdhR$ 株では、著量のギ酸が副産物として生成していた。大腸菌においてギ酸は、ピルビン酸-ギ酸リーゼによるピルビン酸のアセチル CoA への変換時に生成する。そのため、 $\Delta pdhR$ 株では同じ反応を触媒する PDHc を避ける応答、すなわち、NADH 生成を弱める代謝制御をしていると考えられた。これは、1,3-BD の高生産に NADH 供給の強化が重要でないことを示唆している。そこで、もう一つの還元力である NADPH 供給の強化が 1,3-BD 生産に及ぼす影響を評価することとした。ギ酸から NADPH を生じるギ酸脱水素酵素 (Fdh) をタンパク質工学的に作製し、1,3-BD 合成代謝経路と共に $\Delta pdhR$ 株で発現させた。その結果、Fdh の共発現により 1,3-BD 収量はさらに 1.2 倍に增加了（親株と比較して 1.55 倍）。これらの結果は、大腸菌における 1,3-BD 生産には、アセチル CoA 及び NADPH 供給の強化が有効であることを示している。

1) Kataoka *et al.*, *J. Biosci. Bioeng.*, **115**(5), 475-480 (2013).

2) Kataoka *et al.*, *Biosci. Biotechnol. Biochem.*, **78**(4), 695-700 (2014).

3) Iwabu *et al.*, 第 65 回 日本生物工学会大会, 2P-093 (2013).

1,3-butanediol, *Escherichia coli*, metabolic engineering

発表責任者：片岡 尚也 (nkataoka@yamaguchi-u.ac.jp)